

大学院学生各位

To All Graduate Students

2019年度 基盤医学特論 開講通知 Information on Special Lecture Tokuron & Tokupro AY2019
特徴あるプログラム オミクス解析学プログラム
Omics Analysis Program

題目：メタゲノムインフォマティクス

Title : Metagenome Informatics

講師：黒川 顕 先生
(国立遺伝学研究所・副所長)

Teaching Staff : Dr. Ken KUROKAWA

(Vice director, National Institute of Genetics)



日時：2019年5月16日(木) 17:00~18:30

Time and Date : 16th May, 2019 17:00-18:30

場所：基礎研究棟 第2講義室

Room : Basic Medical Research Building Lecture room No.2

概説：

細菌は地球上のあらゆる環境において多種多様な個体が群集を形成し棲息することで、その環境における物質循環の基盤を担っている。したがって、ある環境の生態系を理解し、生物間の相互作用や物質循環のプロセスをモデル化するためには、環境中の細菌群集についての詳細な理解が必須となる。しかしながら、環境中の細菌のほとんどは培養することが困難なため、群集を構成する種の組成はもちろんのこと、それらの生態や機能については未解明な部分が多い。

コンピュータの発展ならびに超高速シーケンサーの登場により、これまで全体像の理解が困難であった自然界における遺伝子動態を、環境中に存在する微生物を群集まるごとゲノム解析するメタゲノム解析により理解できる時代に突入した。しかし、メタゲノム解析は、全ゲノム情報を捉えられないという点でゲノム解析とは大きく概念が異なるため、これまで培ったゲノム解析の手法を単純に応用することが困難である。本講義では、膨大なメタゲノムデータから新規知識を得るための技術を具体的な例を挙げつつ紹介する。

使用言語：日本語

Language : Japanese

関係講座・部門等の連絡担当者:神経遺伝情報学・大野欽司、システム生物学・島村 徹平 (内線 1980)

Contact : Division of Neurogenetics・Kinji Ohno, Division of Systems Biology・Teppei Shimamura (ext.1980)

事前連絡は不要です。

No registration required.