

# No.44

コース名 Course Title	CIBoG RIによるトランスクリプトーム解析の実践演習 CIBoG Practice of transcriptome analysis with R
科目種別 Course Type	基盤医科学実習 ベーシクトレーニング Basic Training
収容人数 Capacity	20
担当教員 Instructor	松井佑介 / Yusuke Matsui
担当教員専門分野 Department	計算生物学、統計科学、計算科学 / Computational Biology, Statistical Science, Computer Science
担当教員連絡先 Contact	内線 Ext: 1362 (大幸 / Daiko)
	E-mail: matsui@met.nagoya-u.ac.jp
単位数 Number of Credits	0.5単位
実施日時 Time and Date	9/19 10:00-17:00 9/20 10:00-17:00
実施場所 Place	Zoomによるオンライン開催 / Held online via Zoom
授業形態 Type of Class	実習 Seminar
授業の目的 Objectives of the Course	バイオインフォマティクスの基礎として、遺伝子発現解析の基本的考え方やアプローチ、理論を学ぶ / Learn the basic concepts, approaches, and theories of gene expression analysis as the foundation of bioinformatics
学習到達目標 Goals of the Course	遺伝子発現解析の基礎を習得し、基本的な解析を自ら実施できるようになること。 / To acquire the basics of gene expression analysis and be able to perform basic analyses on their own.
授業の構成 Course Content	発現データ解析を中心に講義・演習を行う。バルク / シングルセルトランスクリプトーム解析、遺伝子セット解析、ネットワーク解析を中心に概念と理論、実践を学ぶ / Lectures and exercises will focus on expression data analysis. Concept, theory, and practice focusing on bulk / single cell transcriptome analysis, gene set analysis, and network analysis
教科書・参考図書等 Textbooks	適宜配布 / distribute as appropriate
成績評価方法 Grading system	適宜配布 / distribute as appropriate
備考 Additional Information	