

基盤医学特論
Tokuron Special Lecture

特徴あるプログラム
「CIBoG/AI-MAILsメディカルAIプログラム」

MATLABにおけるバイオインフォマティクス
Bioinformatics in MATLAB

MathWorks Japan アプリケーションエンジニアリング部

菱田寛之



"To accelerate the pace of engineering and science"をミッションとして掲げるMathWorks社の数値計算ソフトウェアMATLABでは、皆さまの研究や解析を効率よく進めていただくための機能を幅広く有しています。

NGSやAIの進化によりバイオインフォマティクスは注目の領域となっていますが、生命科学、情報工学、統計の知見が必要になることから、敷居の高さを感じる領域でもあります。このような学際領域に取り組む場合、教科書による理論の理解に加え、実際に手を動かすことで理解が進むこともあります。そこで本セミナーでは、RNAシーケンスデータを対象に二群比較し遺伝子発現の有意差を検定するデモを行います。本セミナーはバイオインフォマティクス初心者およびMATLAB初心者を対象としています。

日時： 2022年 3月 2日（水） Zoom 午後 5時から午後 6時半
Date: Mar. 2, 2022 (Wed.) 17:00 – 18:30
言語： 発表&パワーポイント：日本語
Language : Presentation & PowerPoint: Japanese
連絡先： AI-MAILs 事務局 浅井 (AI-MAILs 事務局内線 2448)
Contact: Ms. Sayuri Asai, Secretariat of AI-MAILs (ext. 2448)
注意： 事前登録が必要です。
Note : Pre-registration is required

* Zoomにて開催します。前週金曜日に学務課よりメールで送られる「TKR&TPRO 特論/特プロ開講通知」を確認し、講義開始時間までに事前登録をして下さい。

This lecture is held through Zoom. This lecture requires registration. Please register in advance by the start time of the lecture. The URL for classregistration of this lecture will be announced by the e-mail“【med-all】TKR&TPROLecturesScheduled Coming Week” sent on Friday of the previous week. Please check mails regularly, when the lecture date of your choice approaches..

* 出席はNUCTを用いて行います。NUCTへ入力するキーワードは講義中にお知らせします。Attendance is checked through NUCT. The keyword for NUCT will be given during the class.