

2024 年 10 月 18 日
18th, Oct, 2024

大学院学生各位
To All Graduate Students

2024 年度 基盤医学特論 開講通知 Information on Special Lecture Tokuron & Tokupro AY2024

特徴あるプログラム CIBoG/AI-MAILs オミクス解析学 プログラム CIBoG/AI-MAILs Omics Analysis

題目：トランスクリプトーム・エピゲノムデータ解析による 疾患の機序と特徴の抽出

Title: Extraction of disease characteristics through transcriptome/epigenome data analysis

講師：栗 津 暁 紀 先生

広島大学大学院理学研究科・准教授

Teaching Staff: Dr. AWAZU Akinori

The Graduate School of Science, Hiroshima University • Associate Professor

日時：2024 年 10 月 31 日 (木) 17:00～18:30 (基礎研究棟 3 F 第 2 講義室)

Time and Date: 31st October, Thu 2024 17:00-18:30 (Lecture Room No. 2)

使用言語：日本語 Language: Japanese

概説：

疾患に対する創薬や治療戦略の策定には、その病態の全容と背景・機序の把握が重要であり、トランスクリプトーム・エピゲノムデータの解析は、その際に有力な知見を提供すると期待される。今回はその一例として、臨床的に健常、中等度認知症、アルツハイマー病と診断された被験者群のデータの解析結果について述べる。本解析により、アルツハイマー病態には複数のサブタイプが存在し、また重症化に至る病状進行経路も複数存在する可能性が見出された。そこでこの結果の詳細を紹介しつつアルツハイマー病の実態について考察する。

関係講座：分子腫瘍学・鈴木 洋，システム生物学・本田 直樹，島村 徹平

部門等の連絡担当者：システム生物学 西尾 (内線 1980)

Contact: Division of Systems Biology Nishio (ext.1980)

※事前のお申し込みは不要です。

No Registration required.

※講義中の録画・録音は禁止します。

Recording this lecture is not allowed.