

2024年12月16日
16th, Dec 2024

大学院学生各位
To All Graduate Students

2024年度 基盤医学特論 開講通知 Information on Special Lecture Tokuron & Tokupro AY2024
特徴あるプログラム CIBoG/AI-MAILs オミクス解析学
プログラム CIBoG/AI-MAILs Omics Analysis

題目：機械学習を用いたシングルセルデータ解析の実際

Title: Practical single cell data analysis using machine learning

講師：小島 諒 介 先生

京都大学大学院医学研究科人間健康科学系専攻
バイオメディカルデータサイエンス分野
大学院医学研究科附属医療DX教育研究センター 准教授



Teaching Staff: Dr. KOJIMA Ryosuke

Center for Digital Transformation of Healthcare
Associate Professor, Department of Biomedical Data
Intelligence, Graduate School of Medicine, Kyoto University

日時：2025年1月16日(木)17:00~18:30(基礎研究棟3F 第3講義室)

Time and Date: 16th December, Thu 2024 17:00-18:30 (Lecture Room No. 3)

使用言語：日本語 Language: Japanese

概説
本講義では、シングルセルデータ解析において機械学習が果たす役割と、最新の応用例について解説する。シングルセル解析は、細胞の多様性を解明し、生物学的現象や疾患メカニズムを深く理解するための重要なツールであり、近年そのデータ処理は大きく注目されている。本講義では、シングルセルデータの特徴を踏まえ基本的なデータ処理技術を紹介した後で、特に、少数サンプル問題や高次元データにおけるモデル構築の課題や近年の深層学習や基盤モデルを用いた新しい技術についても触れ、実際のデータを用いた解析事例も紹介する。

関係講座:分子腫瘍学・鈴木洋, データ駆動生物学・本田 直樹
部門等の連絡担当者:データ駆動生物学 西尾 (内線 1980)
Contact: Division of Data-driven Biology Nishio (ext.1980)

※事前のお申し込みは不要です。
No Registration required.

※講義中の録画・録音は禁止します。
Recording this lecture is not allowed.