

平成28年度特徴あるプログラム日程表 Distinctive Educational Program 2016

10.オミクス解析学プログラム Omics Analysis Program

No.	講義日 Date	時間 Time	場所 Place	使用言語 Language	講義担当者所属 Department	講義担当者 Lecturer	講義名(テーマ・演題等) Title
1	2016/5/25	17:00-18:30	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	東京大学医科学研究所 ヘルスインテリジェンスセンター 健康医療計算科学分野 Division of Health Medical Computational Science, Health Intelligence Center, Institute of Medical Science, University of Tokyo	新井田 厚司 Atsushi NIIDA	発現モジュール解析によるがんのシステムの理解 Understanding cancer on system-level using expression module analysis
2	2016/6/9	17:00-18:30	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	九州大学 生体防御医学研究所 Medical Institute of Bioregulation, Kyushu University	山西 芳裕 Yoshihiro YAMANISHI	医学・薬学研究におけるケモインフォマティクス Chemoinformatics for medical and pharmaceutical research
3	2016/6/15	17:00-18:30	会議室2 Meeting Room 2	日本語 Japanese	東京大学 先端科学技術研究センター システム生物学 Systems Biology and Medicine, RCAST, The University of Tokyo	大澤 毅 Tsuyoshi OSAWA	メタボロミクス解析とがん代謝システム Metabolome analysis and systems cancer metabolism
4	2016/6/23	17:00-18:30	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	産業技術総合研究所 人工知能研究センター Artificial Intelligence Research Center, National Institute of Advanced Industrial Science and Technology	瀬々 潤 Jun SESE	大規模オミクスデータ解析への機械学習と多重検定入門 Multimomics data analysis: Introduction of Machine Learning and Multiple Testing
5	2016/6/29	17:30-19:00	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	東京大学 医科学研究所 The Institute of Medical Science, The University of Tokyo	宮野 悟 Satoru MIYANO	スーパーコンピュータとがんの個別化ゲノム医療 ～ゲノム個別化医療は医療費を本当に削減できるのか～ Clinical sequencing and personalized medicine with cognitive computing
6	2016/7/20	17:00-18:30	会議室2 Meeting Room 2	日本語 Japanese	九州大学大学院 医学研究院 臨床医学外科学講座 耳鼻咽喉科学分野 Department of Otorhinolaryngology, Graduate school of Medical Sciences, Kyushu University	内 龍太郎 Ryutaro UCHI	がんの腫瘍内不均一性・進化のオミクス解析 Omics analysis for intratumor heterogeneity and cancer evolution
7	2016/10/5	17:00-18:30	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	九州大学 生体防御医学研究所 Medical Institute of Bioregulation, Kyushu University	松本 雅記 Masaki MATSUMOTO	定量プロテオミクスで見る生命システム Quantitative proteomics for systems biology
8	2016/10/19	17:00-18:30	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	理化学研究所 情報基盤センター バイオインフォマティクス研究開発ユニット Bioinformatics Research Unit, RIKEN Advanced Center for Computer and Communication	二階堂 愛 Itoshi NIKAIDO	1細胞ゲノム科学と再生医療 Single-cell genomics for regenerative medicine
9	2016/11/1	17:00-18:30	第3講義室 Lecture room No.3	日本語 Japanese	新潟大学大学院 自然科学研究科 Graduate School of Science and Technology, Niigata University	阿部 貴志 Takashi ABE	メタゲノム解析入門 An introduction to the analysis of metagenomic data
10	2016/11/16	17:00-18:30	会議室2 Meeting Room 2	日本語 Japanese	東海大学 医学部 基礎医学系分子生命科学 情報医学生物学研究室 Department of Molecular Life Science Tokai University School of Medicine	中川 草 So NAKAGAWA	大規模塩基配列解析による感染症研究 Massive DNA sequence analysis for infectious disease studies
Revised 11	2016/11/30	17:00-18:30	会議室2 Meeting Room 2	日本語 Japanese	名古屋大学大学院 医学系研究科 附属神経疾患・腫瘍分子医学研究センター Graduate School of Medicine Center for Neural Disease and Cancer	紅 朋浩 Tomohiro AKASHI	小型次世代シーケンサーMiSeqの利用法:アンプリコンシーケンシングを中心に NGS analysis with Illumina MiSeq sequencer: Sequencing of various amplicons.
12	2016/12/14	17:00-18:30	会議室2 Meeting Room 2	日本語 Japanese	エーザイ株式会社 Eisai, Creative Commons Japan, Open Bioinformatics Foundation	中尾 光輝 Mitsuteru NAKAO	化合物スクリーニングアッセイ Compound screening assays