

平成 30 年 4 月 18 日

18th Apr, 2018

大学院学生各位

To All Graduate Students

平成 30 年度 基盤医学特論 開講通知
特徴あるプログラム オミクス解析学プログラム
Information on Special Lecture Tokuron & Tokupro AY2018
Omics Analysis Program

題目：日本人ヒトゲノムの De novo 配列決定と構造変異解析

Title : De novo sequencing of Japanese genomes and structural variant analyses

講師：森下 真一 先生

東京大学大学院新領域創成科学研究科・教授

Teaching Staff : Dr. Shinichi MORISHITA

Professor, Graduate School of Frontier Sciences, The University of Tokyo

日時：2018 年 5 月 29 日 (火) 17:00~18:30

Time and Date : 29th May, 2018 17:00-18:30

場所：基礎研究棟 第 1 講義室

Room : Basic Medical Research Building Lecture room No.1

概説：

人類遺伝学の基礎と関連する数学および情報科学のアルゴリズムについて概説する

- ・ヒトゲノムや遺伝病を解析する際に注目する特徴量とは？
- ・allele, genotype, haplotype, 疾患関連遺伝子探索
- ・GWAS (全ゲノム相関解析)
- ・連鎖解析, haplotype 推定
- ・パーソナルゲノム解析の現状

使用言語：日本語

Language : Japanese

関係講座・部門等の連絡担当者: 神経遺伝情報学・大野欽司、システム生物学・島村 徹平 (内線 1980)

Contact : Division of Neurogenetics・Kinji Ohno、Division of Systems Biology・Teppei Shimamura (ext.1980)

事前連絡は不要です。

No registration required.

医学部学務課大学院係

Student Affairs Division, School of Medicine