

名古屋大学  
生命科学系研究者のみなさま

遺伝子実験施設ではABI3100キャピラリーシーケンサの共同利用サービスを行っています。  
シーケンス反応済みのサンプル、またはDNAサンプルを出して頂ければ、翌日に塩基配列のデータが入手できるようになっています。

今回、きれいなシーケンスデータを得るためのTipsについて、簡単な講習会を下記の日程にて開催したいと考えています。  
シーケンスサービスをご利用の方も、御自身のラボでシーケンス解析を行っている方も、ぜひ御参加下さい。

#### 記

日時： 3月10日（月） 15:00~16:00  
場所： 遺伝子実験施設 F301

タイトル： キャピラリーシーケンス講習会  
(きれいなシーケンスデータを得るためのTips)

講師： 中邨真之 (遺伝子実験施設)

問い合わせ先： [mnak@gene.nagoya-u.ac.jp](mailto:mnak@gene.nagoya-u.ac.jp) (内 85 (東山) - 6033)

参加希望者は、  
参加者氏名、身分、所属研究室を明記して下記のメールアドレスまでお願いします。  
[kyoudouriyou@gene.nagoya-u.ac.jp](mailto:kyoudouriyou@gene.nagoya-u.ac.jp)

以上

(注)分析機器部門・担当者より：  
東山キャンパスの遺伝子実験施設より、共同利用サービスの案内が来ましたのでご案内致します。ご興味のある方は直接遺伝子実験施設に問い合わせ頂くか、下記担当者にご相談下さい。

担当者 : 紅(内線 2460)、伊藤(内線 2403)