

分析機器部門講習会シリーズ

質量分析データ解析セミナー

近年、ポストゲノム研究として質量分析計を用いたプロテオーム解析が広く行われるようになってきております。質量分析によりタンパク質を同定する場合、検索エンジンを利用して質量分析データとアミノ酸配列データベースの照合処理を行い、試料ペプチドのアミノ酸配列を決定します。このデータベース検索エンジンの例として、マトリックスサイエンス社の提供するマスコット (Mascot) は最も広く利用されているものの1つです。本セミナーでは、検索条件、スコアリング、検索結果の見方など、Mascot を利用する上で必要となる項目を中心にご説明いたします。

日 時 : ~~平成25年2月1日(金) 14:00~16:00~~
平成25年2月6日(水) 14:00~16:00

講 師 : マトリックスサイエンス (株) 高江洲 宏智 氏

講習内容 : Mascot 概要
 検索条件
 スコアリング
 検索結果の見方
 Mascot 関連プログラム

場 所 : ~~基礎研究棟 会議室1~~ **基礎研究棟 会議室2 (生協印刷部隣り)**

定 員 : 45名 (先着順)

申込期間 : ~~平成25年1月21日(月)~~ **平成25年1月25日(金)**

申込方法 : 電子メールで、「講習会名」、「所属講座」、「氏名」、「内線番号」、「電子メールアドレス」を明記の上、taki@med.nagoya-u.ac.jp 宛にお申し込みください。

お問い合わせ先

医学教育研究支援センター 分析機器部門

担当: 瀧 健太郎 (内線: 2406、Email: taki@med.nagoya-u.ac.jp)

※Web でも講習会情報を掲載しています (<http://www.med.nagoya-u.ac.jp/kiki/workshop/index.html>)