

分析機器部門講習会シリーズ

バイオインフォマティクスを活用した
RNA-seq/シングルセル RNA-seq 解析入門

多くの研究で次世代シーケンサが利用されており、さまざまな解析ソフトウェアが公開されていますが、「論文の methods を参考にバイオインフォマティクス環境」を整備するハードルは高いのが現状です。

本セミナーでは、RNA-seq およびシングルセル RNA-seq において、次世代シーケンサから出力される転写産物の発現量の定量や品質管理、群間比較の統計的な解析など、バイオインフォマティクスの手順についてご説明します。また、データ解析結果の解釈や、生物学的な解釈の進め方について解説します。

バイオインフォマティクスでどのようなデータ解析が行われているかわからず不安な方、データ解析結果の読み方や意味を理解したい方のお悩みを解消するソリューションをご紹介します。

*** 本講習会では、分析機器部門に未導入の機器・技術について紹介します。**

【期 間】 2026 年 10 月 15 日（木）～11 月 15 日（日）

※ 開始前に申し込まれた場合も 10 月 15 日からご視聴が可能になります。

【対 象】 ・バイオインフォマティクス解析の内容を知りたい方
・データ解析結果の読み解き方や意味を知りたい方
・ご自分でバイオインフォマティクス解析を行いたい方

【講 師】 アメリエフ株式会社 代表取締役 CEO 山口昌雄

【講習方法】 オンデマンド配信（期間内にご覧ください）

【定 員】 なし

【申込期間】 2026 年 11 月 15 日（日）まで

【申込方法】 下記記載の URL からお申し込みください。

https://amelieff.jp/261015_nagoya

お問合せ先

医学教育研究支援センター分析機器部門

担当： 丸井

内線： 2403 / 5779

Email： marui.moeko.c3@f.mail.nagoya-u.ac.jp



申込時にいただいた個人情報は、「東海国立大学機構個人情報保護規程」に基づき適切に管理いたします。
詳しくは、ホームページをご参照ください。 <https://www.nagoya-u.ac.jp/about-nu/objectives/protection/index.html>