

分析機器部門講習会シリーズ

Chromium X 利用説明会

1細胞を対象とした遺伝子発現解析はかねてより行われていましたが、数百細胞レベルでの解析が限界で包括的な遺伝子発現解析が困難でした。それらの問題を解消すべく、Drop-Seq や Mars-Seq など多くの手法が開発され、さらに Drop-Seq をベースとした 10x genomics 社の Chromium システムなどのデバイスが登場してから、シングルセル遺伝子発現解析は広く行われるようになり、近年での論文投稿数は爆発的に伸びています。

昨年度、当部門に導入されたシングルセル解析プラットフォーム Chromium X (10x genomics 社) でのシングルセル RNA-Seq を考えている方、興味のある方へ向けた利用説明会を行います。シングルセル RNA-Seq の基本的な流れや、ライブラリ調製の原理等について、10x genomics の技術に絞って紹介いたします。また、本機器は利用者自身で使用する自己運用と、ライブラリの調製を依頼する受託の 2通りの利用パターンがあります。本講習会では受託依頼の申請方法、注意点についてご説明いたします。(分析機器部門：丸井)

【日 時】 2026年 6月 4日(木) 15:00~15:30

【対象機器】 Chromium X (10x genomics)

【対 象】 本機器の利用を考えている方

【講習内容】 シングルセル RNA-Seq の基礎知識、本機器利用時の手続きについての説明

【開催方法】 オンライン (Teams)

【定 員】 なし

【申込期間】 2026年 6月 3日(水) 17:00 まで

【申込方法】 下記記載の URL からお申し込みください。

<https://forms.office.com/r/gLRJGTQRPs>



お問合せ先

医学教育研究支援センター分析機器部門

担当： 丸井

内線： 2403 / 5779

Email：marui.moeko.c3[at]f.mail.nagoya-u.ac.jp

(送信の際は[at]を@に変えてください)

申込時にいただいた個人情報は、「東海国立大学機構個人情報保護規程」に基づき適切に管理いたします。詳しくは、ホームページをご参照ください。 <https://www.nagoya-u.ac.jp/about-nu/objectives/protection/index.html>