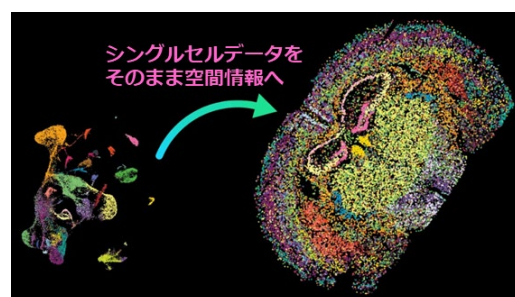


分析機器部門講習会シリーズ

革新的空間解析テクノロジー
Curio Trekker/Seeker のご紹介

昨今、注目されている空間トランスクリプトーム解析ですが、従来のシングルセル RNA-Seq データと比べると、細胞当たりの検出遺伝子数が少ない、セルセグメンテーションに頼らざるを得ない、ATAC-Seq やレパトアと組み合わせて解析できない、など、シングルセル RNA-Seq とのギャップを感じることはないでしょうか？

シングルセルデータをそのまま空間情報にコンバートする技術 Curio Trekker についてご紹介します。本セミナーでは基本原理や解析例などについてご紹介させていただきます。また、同じく Curio 社の製品 Seeker についてもご紹介いたします。



*** 本講習会では、分析機器部門に未導入の機器・技術について紹介します。**

【日 時】 2025 年 5 月 27 日 (火) 16:00~17:00

【対 象】 シングルセル・空間トランスクリプトーム解析にご興味をお持ちの皆様

【講習内容】 新しいシングルセル空間解析手法である Curio trekker のご紹介

【演 者】 浅井 雄一郎 (タカラバイオ株式会社 遺伝子解析センター)

【講習方法】 オンライン

【定 員】 なし

【申込期間】 2025 年 5 月 26 日 (月) 17:00 まで

【申込方法】 下記記載の URL からお申し込みください。

<https://forms.office.com/r/zWkwzMBWF6>



お問合せ先

医学教育研究支援センター分析機器部門

担当： 丸井

内線： 2403 / 5779

Email: marui.moeko.c3@f.mail.nagoya-u.ac.jp

(送信の際は[at]を@に変えてください)

申込時にいただいた個人情報は、「東海国立大学機構個人情報保護規程」に基づき適切に管理いたします。
詳しくは、ホームページをご参照ください。 <https://www.nagoya-u.ac.jp/about-nu/objectives/protection/index.html>